Promoter region: -3057bp to 746bp

GAS binding site

Part of CDS

CCACCTTCTGCTGTTATCATCAGCCTTTTAACTCAGGTTTTGATATGGTGAAAAGAGTCACCAGGGTTATTCAGACACCCCGGCTGTCAGGGTCCTTGGTGGTTAAACCTGGGAAAAGGCCACATGAAGACAACTGTAAGCACACATGATCCCTCTGAATTGTTTTCTTTTCCTGCAATTGTGCTTGCTCTTAAAAATTGAAGTTTTAAACAGGGCTCACATGTGATCATCCTTCCATCTATTGGAGTCTAGCTTGAAATGTGACAACCGGAACCAAAAGAACCTTGAATTTGGTGCCTACTTTGGTTTTGGTGCTGCTGCTTCTCAAGATCCTCAGCAGGGATTAAGAAGTTGGGGTGCACAGCAGGAATATCAGGAAATTGGCAGGCTTGACTTCCTGGCAAATTGCTAGCAGGACCACTAAATGCTGAACTGTACTGTGAATGTATACCGAAATACAAGCAATTATTTCTGTACTAAAGGTGTTTTTAATTTTGTATTTGTGTAAAACCACCTTTGGAAGCAGCAACTATCTAGTCAGAAAAGCAAATGATGTTTCCATTAATCTTTTCTGGGGAAAACATTAGTGCTAAGGATTTAACAATCTGTAGGTAAAGTTTAACCTAACAGTATTCCACAAGGAGACTTTTTATTATCAGACGGTTGCCTAATTTTCATATAATTTTTATATTAATATAATCCTTGGTTCCTCCCCATCCCCTTCATAGGCCACAGCTGAGGTGAAAAGGGTCCTGGAATGGCTAGTGAGAGCTAGAAATTCAGACGGGAAAATTGAAACTCAGAGCAGAAAGGCAAGCTGCCCAAAAATAACAACGCTAGTTAATGGCACAATTGCTACCAGACCCAAGTATCCAGACTTCCTGGAGCTGTGAGATCTTTCATCACCACCACTCTCCAGGTACCGGGCAGTGCCTGTTTCTGGATTCAAACTCACAGCAGCGAGGAAATCCTATTTTAGCAAAGTGATCTACTGTTACTGTTGTTAGTGCACCCCTCTCCTGCGTCTCTGCTTCACATCCACTCCCTCGCCGCCCGCCCCCAAACACTTGGATTCTTCCTAGCCTCTCACAGGTCAGCCACCACCAGAGGACCGTGAGCCTCCGGCAAGTGATCAAATACTGAGCCCGAATTTCGGCAGCCGTACCAACGCAATCCTGGGAGCCCATTCCACCCACTCCGCAGCCCCTCTCCCACCTCACCTCTTCCCTTGTCAGAAAAGCGGACGCCGCCTTCCCAGACTCTCCTCATGAAAACAGCACCCATCTAAATAGTGATCATGAAAAATGCCCCTTCCAGTCCACAGAGAAAAAGCTTTCTCCTTTTCTAAGAGTCCATGGGCGCCGCCATGTTGCTGTACGGAAAAACGTTTCCAGGGCGAGTTGAGCGTTCAGGGCACTCCTCGGCGCTCAAGCTGCCCACAGGTCTTCCGACCTAACTTTAGGGGTCGTGCCAGTCTTCGTAGAGACGGCCACACTGGCCCACAGACCCCAGTTCCTGGGGTGACGCAGCTGGGCGCGACCAGCACGCAGCCTTCCAGCGACGAGGCGGTCGCATGGAAGTTACTGCGCGCGTCGTGCGTAATGACGTCAGCGCCGGCGGAGAATTTCAAATTCGAACGGCTTTGGCGGGCCGAGGAAGGACCTGGTGTTTTGATGACCGCTGTCCTGTCTAGCAGATACTTGCACGGTTTACAGAAATTCGGTCCCTGGGTCGTGTCAGGAAACTGGAAAAAAGGTGACTGAATGACATCGGATTAACTTTGTTTCTGCAGAGCTGTTCTGGAGGAAGAAAGTGATGGCGCCAATGACTTAAATTTAGAGGTCCTGAGGCGATGTTTTGGTGTTTGTTTGCTGTTGGGAGAAGCCTCGAGGCCAAAACTGTGCGAGGCGCTGGTTTCACGGGATCTATTAAATTTCTAGTGGCAACGATTTCCCAAGGAGGAAAGGGGAGGGCCTGGGGGACACTGATGAGGAGTGGAGGCTCGGGAGAGGAAACGGGGAAGAATTGAAGGGGGCGGAAAGAGATGGACAAGAGAGGACTCGTTGGGTGGGTTGCGTCTGAATACTAGTGTAGCTTCTTATGGCCGTGTAGGACTGCGTGTAGAAGTCTTCATCTTAAATCATGAGAGCTACATTCTAAGTGGAGATTAAACGTGGACACACAGGTGTGAGTGGAAAAGTTGAATAGATGAACAAGCGCATATTGAAGAGGAAATAGGCGGCCAAAATCAAGAAGAGTCTAATCAGTGTAAAAGACTAAGGAGTACCCAGAGAAGTAAAAGGATTGTCACCTTCCTGAAAGCCAGGGCAGGACCTGAGAAGGCTGGGTGCAGAGATGAGACAGGATCAAAAGTTTTGTCAATCATGTGTATCCTAGGAGACAAATTTTTTAGCAGATGTGAAGGGAGTGACCTGTTAATGTGGTTTGTAAATGGAGGCAGCCTATAGACCATTTTATGGACCGGATGATTTATCCTTGTTGAAGGGGAGATTGATGCCAAAAGGGCAGTAATTGAGGAAACAATGGGTTAAGGACAGAGCAGGAGAGATTGACATTAGGAAAACAGAATAATTCCATTCTCTGAAACCAAAGAAAAGGAAACATTTTGAGGTGAATAAGAGAATTTGAGGTAATTTTTTTGTCTTCCTATTGAAATAGGCACAGCCAACAGCAGTAATGTGGTCTGGGTAACAGACAGGGCTTTAGCTACCACGGATACCCTTGTGAAGGCAAAAACCGTAACTTACTCGTCTTTGCATCTCCTGCATTGCCTAGCACACTCCCCTATATATATAGTGGGCAGTTAATAAATGTTTATGTTGAATATTTTTAAATGGAATTAAATAGATGTTCCTTGCAAATGAGAACTTCAGTGTACATGAACAAAAAAGAGATACCCCAGGGGAAAGATGATGATCTTGAAGAAACAATGAAACCTGACTGTCTTTCTGTTTAAGGATAAATAGTTGCTTAATGTACCATCTCTGTCTGGAAAGTTTTTTTTAAATACTGAATTCGTGAATGTAGGTCATAAGCATGAAGCGCAGTTCAGTTTCCAGCGGTGGTGCTGGCCGCCTCTCCATGCAGGAGTTAAGATCCCAGGATGTAAATAAACAAGGCCTCTATACCCCTCAAACGTGAGTATTTCCCTTGTGGTTCTAATTTGCATGCTTTATCATCTTAGGCAAAGAAATCATAAGAAATAGTTAATATAAAGATGTAATATGAGTGATGTCTTGGTGAATCTTGTCTGTTCCCAGGGGTACCTAATTTTGGATCAATGAAATCTAAAAGTGGGCATGATACTCTGCTAGGTGTTGTTTGTGTCATTTGTTTCACAAATTTCCAAAGCCAAATGCTTTACCAGGCACCCCCTAAAAGGACTGTTAATTCTTGTTCAGTACTCTCTTATTTTTCTCTTTTATTCTAGAGCTACTTGTTTAAGCAGGCTCTGTGCTGTAACTTAGAGTTCACTGAGATATTTCCAATTAGCAAAGCTTCAATCAAATCAGAGCAAAATTATTTGCTCTCATAAGGTATAATATAGTAGCAGCCTACAAAACACCACTCCTCCGAACTCTTTCCTCAAGATTTGCTGGAAAAATATCTGAAAGAACCTGCTGTCATAAACTATAGTTTTTCATTATGAGTGATTATCTTCCAGATAAGAGAAGGCTATTTGTAAGCCATTGTAGAGCTGTATAATTCTTCTCTAGTACCGAGGTACAAGTTACTTGCTAACTGTTTTTAAATTACTTGGATTTACATAGTATGAGCCTATG